

# Basic Analysis

- [Amino Acid Translation Element](#)
- [Annotate with UQL Element](#)
- [CD-Search Element](#)
- [Collocation Search Element](#)
- [Export PHRED Qualities Element](#)
- [Fetch Sequences by ID From Annotation Element](#)
- [Filter Annotation by Name Element](#)
- [Filter Annotations by Qualifier](#)
- [Find Correct Primer Pairs Element](#)
- [Find Pattern Element](#)
- [Find Repeats Element](#)
- [Gene-by-gene approach report](#)
- [Get Sequences by Annotations Element](#)
- [Group Primer Pairs Element](#)
- [Import PHRED Qualities Element](#)
- [Intersect Annotations Element](#)
- [Local BLAST Search Element](#)
- [Merge Annotations Element](#)
- [ORF Marker Element](#)
- [Remote BLAST Element](#)
- [Sequence Quality Trimmer Element](#)
- [Smith-Waterman Search Element](#)